

TABLE S1
Primers and Amplicons

Species	Locus	Primer name	Amplicon			Forward primer (5'→3')	Reverse primer (5'→3')
			Length	Start ^a	End ^a		
<i>D. magna</i>	<i>Eif2γ</i>	Dm_Eif2γ_1	615	316	744	TGCGCTTCAAAAATGAGTTG	TGAGCCGAGATTGGGATAAC
<i>D. magna</i>	<i>Eno</i>	Dm_Eno_1	633	420	860	ATTGCTGATTTGGCTGGAAC	CAATTGAGACCATGGGGAAC
<i>D. magna</i>	<i>Gapdh</i>	Dm_Gapdh_1	442	218	589	CAATGGTCACCACATTCAGG	AATATTTTGGGCAGCACCAC
<i>D. magna</i>	<i>Got</i>	Dm_Got_1	571	12	442	GCGATAATCATGGCTCCTTC	GCGGTAGGAACGATAACTGG
<i>D. magna</i>	<i>Got</i>	Dm_Got_2	686	360	829	GTTGGAGCTGAATTCCTTGC	AGTGATTTGCGAACGAACAG
<i>D. magna</i>	<i>Got</i>	Dm_Got_3	486	816	1234	GACTTTTGTTCGAAAGATCG	TGCACGTGGTATTTTGCTTC
<i>D. magna</i>	<i>Ldh</i>	Dm_Ldh_1	416	-60 ^b	204	TCAGCCATAGCAGACGTTTC	TTATGGACGAAAGCCAAACC
<i>D. magna</i>	<i>Ldh</i>	Dm_Ldh_2	588	117	566	GGCATGTCTATCGCCTTTTG	CACCGTGTTCCTCAATAATC
<i>D. magna</i>	<i>Ldh</i>	Dm_Ldh_3	413	514	788	ACGTGGATTCTGCTCGATTC	TCCGCGTGTTCCTCAGTATG
<i>D. magna</i>	<i>Ldh</i>	Dm_Ldh_4	500	671	1050 ^b	GATGCTGGCATGGAGTCAG	CAAGCATTTGACACTGTGATTG
<i>D. magna</i>	<i>Mpi</i>	Dm_Mpi_1	649	138	622	GCTGAAGTGTGGATGGGAAC	CGAACTAAGAGACGGGATGC
<i>D. magna</i>	<i>Mpi</i>	Dm_Mpi_2	511	518	>809 ^c	GTGTGAGGCGCTAGTCAAGG	TTAGGCTCAGCTGGTCATCC
<i>D. magna</i>	<i>Pgi</i>	Dm_Pgi_1	576	-13 ^b	375	TGCTCGAAAGTCACGTAAGAC	TGAGCAAGGACTGCATTGAC
<i>D. magna</i>	<i>Pgi</i>	Dm_Pgi_2	568	254	677	CGCAAGGTGCAAGAATCTC	GGAACCAGGACTTTGCTGAC
<i>D. magna</i>	<i>Pgi</i>	Dm_Pgi_3	636	564	975	CCCAACGTCCATTTCGTATC	TCGCCATAAAGGACTCCAAG
<i>D. magna</i>	<i>Pgi</i>	Dm_Pgi_4	641	881	1319	CGCTCTCAGTATTGGCTTCC	CGTCGGCTGATTTTCCTTTC
<i>D. magna</i>	<i>Pgi</i>	Dm_Pgi_5	580	1208	1505	GCTCATTCACCAGGGAATC	TCCCAAATAATTCCTTGAACG
<i>D. magna</i>	<i>Pgi</i>	Dm_Pgi_6	490	1424	1693 ^b	CAAAGTGTTGGAAGGCAACC	TCGCTGGTTCTACTCGGTTTC
<i>D. magna</i>	<i>Usp</i>	Dm_Usp_1	504	196	555	ACAATTCCAATGGCTCCAAG	TTGCACTCGACACGTTTCTC
<i>D. pulex</i>	<i>Eif2γ</i>	Dp_Eif2γ_1	1311	97	1407	GCTTCCACGTTAAAAATGTGC	GACTCGGCGACTGAGAGC
<i>D. pulex</i>	<i>Eno</i>	Dp_Eno_1	994	131	1124	TGGAGCTTCCACTGGTATCC	GAAGGAATCCTCGGTCTCG
<i>D. pulex</i>	<i>Gapdh</i>	Dp_Gapdh_1	767	38	804	TTAACGGATTTGGTCGTATCG	TCGCAGTAGCCCAAATACC
<i>D. pulex</i>	<i>Got</i>	Dp_Got_1	881	306	1186	AAAGAAGGGAGGGCTACAGG	CACTTCATGGATGCATTGG
<i>D. pulex</i>	<i>Ldh</i>	Dp_Ldh_1	946	15	960	CTCTGTGACACCGTCTCC	TGACTGAACTTCGTTTAAAGTTGC
<i>D. pulex</i>	<i>Mpi</i>	Dp_Mpi_1	981	90	1070	CTTTCGCAAGGAACTCAGC	CCCTGCAGGATCAAAGG
<i>D. pulex</i>	<i>Pgi</i>	Dp_Pgi_1	1469	92	1560	AAGGAAAAGATTTGAACATTCACC	GCCTTGGCTAATTGCTTACC

^arelative to *D. pulex* coding sequence

^bin UTR

^cends in intron